

## ポスター発表

\*はポスター賞応募演題

3月12日(火)

ポスター討論タイム(偶数番号) 16:25-17:05

ポスター討論タイム(奇数番号) 17:05-17:45

3月13日(水)

ポスター討論タイム(偶数番号) 15:50-16:20

ポスター討論タイム(奇数番号) 16:20-16:50

- P-01\*** 接合伝達を利用した納豆菌遺伝子組換え系の確立  
○須田 和奏、尾瀧 慶介、朝井 計  
東京農業大・生命科学研究科
- P-02\*** シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 Rbp1 の特異的構造 GRR の機能解析  
○嘉数 健太、町田 颯太郎、渡辺 智  
東京農業大・バイオ
- P-03\*** Extraction of the shared co-expression patterns based on extended pan-network and core-network concepts  
○Jiang Zhenbo<sup>1,2</sup>, Uchiyama Ikuo<sup>1,2</sup>  
1)The Graduate University for Advanced Studies, SOKENDAI, 2)National Institute for Basic Biology
- P-04\*** Applying GenomeSync/GSTK to the analysis of random shotgun metagenome data from the MetaSUB project  
○Kirill Kryukov、鈴木 留美子  
遺伝研
- P-05\*** 新規 uORF による枯草菌 Mg<sup>2+</sup> transporter MgtE の発現制御機構の解析  
○赤岡 大暉、高田 啓、藤原 圭吾、千葉 志信  
京都産業大 生命科学部 タンパク質動態研究所
- P-06\*** 広く保存されている低分子量 G タンパク質 YchF の生体内における機能の解析  
○小高 優人<sup>1,2</sup>、永井 敬大<sup>1</sup>、富永 賢人<sup>3</sup>、倉田 竜明<sup>4</sup>、岩崎 渉<sup>3</sup>、延 優子<sup>1</sup>、田岡 万悟<sup>1</sup>、朝野 維起<sup>1</sup>、加藤 潤一<sup>1</sup>  
1) 東京都立大・理学研究科 2) 感染研・細菌第一部 3) 東京大・新領域創成科学研究科 4) Dept. Exp. Med., Lund Univ., Sweden
- P-07\*** *Actinoplanes missouriensis* の孢子嚢膜形成に関わる遺伝子 AMIS\_66880-66890 の発見と機能解析  
○伊藤 颯人<sup>1</sup>、手塚 武揚<sup>1,2</sup>、大西 康夫<sup>1,3</sup>

1)東大院・農生科・応生工 2)北里大・感染制御 3)東大・微生物イノベ連携機構

**P-08\***

一遺伝子欠損によるグローバルな発現変動とその背景にある遺伝子間の量比保存関係

○千葉 元太<sup>1</sup>、亀井 健一郎<sup>1</sup>、小田 有沙<sup>1,2</sup>、太田 邦史<sup>1,2,3</sup>、若本 祐一<sup>1,2,3</sup>

1)東京大・院総合文化研究科 2)東京大・複雑系生命システム研究センター 3)東京大・生物普遍性研究機構

**P-09\***

窒素固定型シアノバクテリア *Anabaena* sp. strain PCC 7120 の窒素代謝に対する P<sub>II</sub>タンパク質改変の影響

○小島 光咲、得平 茂樹

東京都立大・理学研究科

**P-10\***

*Leptolyngbya boryana* dg5 における多細胞性シアノバクテリアのみに保存された遺伝子 *hetR* の機能解析

○石森 咲野、加藤 優一、得平 茂樹

東京都立大・理学研究科

**P-11\***

シアノバクテリア *Anabaena variabilis* ATCC 29413 におけるアキネートとヘテロシストの多糖層形成の比較解析

○粕谷 麻衣、得平 茂樹

東京都立大・理学研究科

**P-12\***

*Deinococcus radiodurans* の機能未知タンパク質 Dr1314 の機能解析

○谷口 絵乃、菊地 望海、得平 茂樹

東京都立大・理学研究科

**P-13\***

高度好塩性好アルカリ性古細菌の研究室の培養条件には、何らかの選択圧が存在する

○松尾 佳祐<sup>1</sup>、上坂 一馬<sup>2</sup>、井原 邦夫<sup>1,2</sup>

1)名古屋大大学院・理学研究科 2)名古屋大・遺伝子実験施設

**P-14\***

トノサマバッタの群生相化と腸内細菌の関連性の解析

○Jaeha Kim<sup>1</sup>、村上 匠<sup>2</sup>、豊田 敦<sup>3</sup>、森 宙史<sup>1</sup>

1)遺伝研・情報研究系 2)東京工業大・生命理工学院 3)遺伝研・ゲノム・進化研究系

**P-15\***

藍藻におけるマーカーレス変異体作製法の確立

○大舘 和真<sup>1</sup>、川口 毅<sup>1</sup>、池田治生<sup>2</sup>、渡辺 智<sup>1</sup>

1)東京農業大大学院・生命科学研究科 2)次世代天然物化学技術研究組合

**P-16\***

枯草菌におけるヘリオバクテリア光合成遺伝子クラスターの導入と異種発現

○天野 克海<sup>1</sup>、浅井 智広<sup>2</sup>、河合 繁<sup>3</sup>、高橋 裕貴<sup>1</sup>、荷村 かおり<sup>1</sup>、塚谷 祐介<sup>4</sup>、板谷 光泰<sup>5</sup>、朝井 計<sup>1</sup>、渡辺 智<sup>1</sup>

1)東農大・生命 2)中央大・理工 3)豊橋技科大 4)JAMSTEC 5)信州大・工

**P-17\***

細菌が持つセリンパルミトイル転移酵素ホモログが大腸菌に及ぼす特

## 異なる影響

○川口 潤、岩井 伯隆、和地 正明

東京工業大・生命理工学院

**P-18\***

インドールによる GAD 発現抑制における GadX と GadW の役割

○林 弘健<sup>1</sup>、神田 健<sup>2</sup>、岩井 伯隆<sup>1</sup>、和地 正明<sup>1</sup>

1)東京工業大・生命理工学院 2)筑波大・医学医療系

**P-19\***

細胞成長とゲノム複製間における協調関係の解明

○安村 健伸、大林 龍胆

静岡大・理学部

**P-20\***

ゲノム多倍数体における 1 ゲノムあたりの転写、翻訳活性の定量

○村木 遥飛、奥本 麗奈、大林 龍胆

静岡大・理学部

**P-21\***

HU と IHF を欠損した大腸菌はどのように複製を行い、生育を可能にしているのか

○内山 柊杜、原井 桃花、杉山 悠、大島 拓

富山県立大・工学部

**P-22\***

Hha、YdgT は大腸菌の高ストレス条件下における定常期への移行に重要である

○石田 朗紘、指宿 幸輝、大島 拓

富山県立大・工学研究科

**P-23\***

枯草菌溶原性ファージ  $\phi$ Y7 による *spoVK* 再編成機構

○岡脇 佑奈、今村 大輔、佐藤 勉

法政大学・生命科学部

**P-24\***

相同組換えによるファージ溶原化に伴う宿主ゲノム大規模再編成

○小野 由花乃<sup>1</sup>、菅野 貴史<sup>1</sup>、茶谷 朋哉<sup>1</sup>、鈴木 祥太<sup>2</sup>、佐藤 勉<sup>1,2</sup>

1)法政大・生命学部 2)法政大・マイクロナノテクセンター

**P-25\***

ミニマルセルの実験室低温適応進化

○水谷 雅希<sup>1</sup>、森山 実<sup>1</sup>、古賀 隆一<sup>1</sup>、深津 武馬<sup>1,2,3</sup>、柿澤 茂行<sup>1</sup>

1)産総研 生物プロセス研究部門 2)東京大 大学院理学研究科 生物科学専攻 3)筑波大大学院 生命環境科学系

**P-26\***

プロファージの置換プロセス

○内田 勇貴<sup>1</sup>、今村 大輔<sup>2</sup>、佐藤 勉<sup>1,2</sup>

1)法政大 理工学研究科、2)法政大 生命科学部

**P-27\***

海洋性バクテリア *Alteromonas macreodii* の多様な翻訳アレスト因子

○辻 奈緒子、藤原 圭吾、高田 啓、千葉 志信

京都産業大・生命科学部

**P-28\***

*Cupriavidus* sp. TKC 株の DCG 現象に関わる遺伝子の探索

○平野 翔子、Stari Leonardo、Xiong Zhiyu、加藤 広海、岸田 康平、大坪 嘉

行、永田 裕二

東北大大学院・生命科学研究科

**P-29\***

船底防汚塗料の新しい評価法の確立

○Loo Chuan Shen<sup>1</sup>、横山蒼太<sup>2</sup>、濱田雅子<sup>1,2</sup>、浴俊彦<sup>1,2</sup>、広瀬侑<sup>1,2</sup>

1)豊橋技術科学大・大学院工学研究科 2)豊橋技術科学大・工学部

**P-30\***

AlphaFold を用いた構造予測に基づく核様体タンパク質の DNA 結合様式の解明

○江本 光毅<sup>1</sup>、水口 千穂<sup>2,3</sup>、森脇 由隆<sup>2,3</sup>、Yang Miaoyan<sup>2</sup>、鈴木 研志<sup>2,3</sup>、岡田 憲典<sup>2</sup>、野尻 秀昭<sup>2,3</sup>

1)東大・農 2)東大院・農生科 3)東大・微生物連携機構

**P-31\***

全ゲノムデータに基づくスポリディオボラス目酵母の系統進化解析

○小林 裕樹<sup>1</sup>、田中 尚人<sup>2</sup>、松谷 峰之介<sup>3</sup>、黒川 祐菜<sup>4</sup>、青木 敬太<sup>1</sup>、大熊盛也<sup>5</sup>、高島 昌子<sup>1</sup>

1)東京農業大・総合研究所 2)東京農業大・生命科学部 3)東京農業大・生物資源ゲノム解析センター 4)東京農業大・微生物リソースセンター 5)理化学研究所・バイオリソース研究センター

**P-32\***

海洋に優占する難培養性細菌 SAR11 系統が持つ機能未知遺伝子の機能解析

○西野 聡<sup>1</sup>、富永 賢人<sup>1</sup>、西村 祐貴<sup>1</sup>、大前 公保<sup>1</sup>、岩崎 渉<sup>1,2,3</sup>

1)東京大・新領域創成科学研究科 2)東京大・理学系研究科 3)東京大・微生物科学イノベーション連携研究機構

**P-33\***

シアノバクテリア *Leptolyngbya* の *dgc2* 変異株の滑走運動に関する網羅的な遺伝子発現解析

○牛尾 志有<sup>1</sup>、八代 啓太郎<sup>1</sup>、櫛田 和花奈<sup>1</sup>、山本 宏輝<sup>1</sup>、戸井田 一磨<sup>1</sup>、岩崎 秀雄<sup>1,2</sup>

1)早稲田大 理工学術院 2)metaPhorest

**P-34\***

双方向 *cusR* および *cusC* プロモーターによる大腸菌の銅代謝転写制御機構の解明

○老子遼太郎<sup>1</sup>、目久保 知宏<sup>2</sup>、草合 千嘉子<sup>2</sup>、近藤 傑<sup>2</sup>、大島 拓<sup>1,2</sup>、石原潤一<sup>3</sup>、高橋 弘喜<sup>3</sup>、五十嵐 健輔<sup>4</sup>

1)富山県立大 工学部 生物医薬品工学専攻科 応用生物情報学講座 2)奈良先端科学技術大学院大 バイオサイエンス研究科 3)千葉大 真菌医学研究センター 微生物資源分野 4)産業技術総合研究所 生命工学領域

**P-35\***

Micro Meta Map: ショットガンメタゲノムデータに基づく細菌の生態・系統・機能の統合データベース開発

○松本 美緒<sup>1,2</sup>、東 光一<sup>1,2</sup>、鈴木 志野<sup>3</sup>、黒川 顕<sup>1,2</sup>

1)総合研究大学院大・遺伝学専攻 2)遺伝研 3)宇宙科学研究所

**P-36**

枯草菌 2-oxoglutarate dehydrogenase(ODH)欠損株の増殖阻害機構

## の研究

○白崎 凜<sup>1</sup>、清水 俊佑<sup>2</sup>、吉田 健一<sup>1,2</sup>、石川 周<sup>1,2</sup>

1)神戸大・農学部 2)神戸大・科学技術イノベーション研究科

### P-37

微生物が持つ多様な炭素固定経路の温度的分布

○黒川 真臣、黒川 顕

遺伝研

### P-38

*mukB* 欠失の抑圧変異解析から明らかになった染色体凝縮と細胞壁合成の関係

○秋山 光市郎、仁木 宏典

遺伝研

### P-39

サルモネラにおける過剰なカチオンの毒性とその耐性機構

○岩舘 佑未、James Slauch

イリノイ大・微生物専攻

### P-40

亜硝酸還元酵素 NirK の新規金属シャペロン

○按田 瑞恵<sup>1</sup>、西野 聡<sup>1</sup>、鈴木 誉保<sup>1</sup>、岩崎 渉<sup>1,2</sup>

1)東京大・院新領域 2)東京大・微生物イノベ研究機構

### P-41

ショウジョウバエ体内での酵母の適応の仕組みを探る

○清家 泰介<sup>1,2,3</sup>、三宅 拓也<sup>4</sup>、秋山 光市郎<sup>4</sup>、仁木 宏典<sup>4</sup>

1)大阪大・大学院情報科学研究科 2)大阪大・先導的学際研究機構 3)理研・生命機能科学研究センター 4)遺伝研・微生物機能

### P-42

必要に迫られて(!?)スーツケースラボでオンサイト実験

○藤吉 奏、丸山 史人

広島大・IDEC 国際連携機構

### P-43

DNA アレイを用いた微生物迅速検査システムの開発

○村上 英一、三森 裕示、前村 知佳、平川 祐子、青木 秀年、田口 朋之

横河電機株式会社 マーケティング本部 ライフ研究開発部

### P-44

tRNADB-CE を活用した細菌 tRNA におけるグループ1イントロンの起源と進化の考察

○柏崎航佑、阿部貴志

新潟大・院自然科学

### P-45

A preliminary analysis of the growth curves of bacterial strains knocked out by a single gene

○Zehui Lao, Bei-Wen Ying

Life Environ. Sci., Univ. Tsukuba

### P-46

Analysis of the phosphorylation state of XssR, a response regulator for sulfated polysaccharide biosynthesis, under low temperature in *Synechocystis* sp. PCC 6803

○LONG YUHANG, Kaisei Maeda, Kan Tanaka

- P-47** Compensation of medium composition to genome reduction  
○Zipeng Lu, Bei-Wen Ying  
Life Environ. Sci., Univ. Tsukuba
- P-48** 大腸菌複製開始起点への DnaB ヘリカーゼ装着阻害をレスキューする機構における PriC の役割の解析  
○呉 沁霏、興梶 和真、吉田 竜星、鶴田 匠、尾崎 省吾、片山 勉  
九州大・院薬・分子生物
- P-49** ダイズ根粒菌 *Bradyrhizobium elkanii* 菌株間のゲノミックアイランド共通性の比較  
濱崎 祐也<sup>1</sup>、下本 さやか<sup>2</sup>、寺籠 柁<sup>2</sup>、南澤 究<sup>3</sup>、○金子 貴一<sup>1,2</sup>  
1)京都産業大大学院・生命科学 2)京都産業大・総合生命 3)東北大大学院・生命科学
- P-50** DnaC を持たない真正細菌において複製開始タンパク質 DnaA がヘリカーゼローダーとしてはたらく可能性の解析  
○佐藤 翔平、尾崎 省吾、片山 勉  
九州大・薬学部 分子生物薬学分野
- P-51** ナマズ体表から分離された *Flavobacterium* sp. CFS9 株の全ゲノム解析  
○児島美穂<sup>1</sup>、横田恭宣<sup>1</sup>、飛岡佳歩<sup>1</sup>、中谷肇<sup>2</sup>、堀克敏<sup>2</sup>、田丸浩<sup>1</sup>、岡崎文美<sup>1</sup>  
1)三重大・生物資源学研究科 2)名古屋大・工学研究科
- P-52** *Cupriavidus necator* H16 由来パントテン酸キナーゼの酵素学的諸性質  
○入野 晃郁<sup>1</sup>、濱田 美志<sup>2</sup>、長南 茂<sup>1,2</sup>  
1)茨城大大学院 農学研究科 2)東京農工大大学院 連合農学研究科
- P-53** 緑化に配慮した都市開発における大気マイクロバイオームの時空間的变化 その1  
○豊田 章倫<sup>1</sup>、真野 由有<sup>1</sup>、河野 典子<sup>1</sup>、片平 悟史<sup>1,2</sup>、池内 暁紀<sup>1,2</sup>、伊藤 正和<sup>1</sup>  
1)トヨタ自動車株式会社 2)株式会社豊田中央研究所
- P-54** 細菌ゲノム単体からの水平伝播領域推定法の検討  
○和泉 直樹、前田 幸一、阿部 貴志  
新潟大・自然科学研究科
- P-55** Phylogenetic profiling re-visited: exploration of alternate orthologs in functional modules  
○Mikihiko Kawai<sup>1</sup>, Motohiro Mihara<sup>2</sup>, Hiroyo Nishide<sup>3</sup>, Masahiko Takayanagi<sup>4</sup>, Ikuo Uchiyama<sup>1,3</sup>  
1)Laboratory of Genome Informatics, National Institute of Basic Biology 2)Dynacom Co., Ltd.  
3)Data Integration and Analysis Facility, National Institute for Basic Biology 4)Web Brain

- P-56** 原核生物ゲノムの自動アノテーションおよび DDBJ 登録支援パイプライン DFAST  
 ○谷澤 靖洋、Mohamed Elmanzalawi、藤澤 貴智、中村 保一  
 遺伝研・情報研究系
- P-57** Elucidating Soil Carbon Sequestration: A Shotgun Metagenome Study of Kyushu Forest Soils in Relation to Soil Characteristics and Tree Species Diversity  
 ○Leonardo Stari, Shoko Hirano, Kouhei Kishida, Yoshiyuki Ohtsubo, Yuji Nagata  
 Graduate School of Life Sciences, Tohoku University
- P-58** IV 型分泌装置 (T4SS) の内膜コンポーネント TrbB の ICEKKS102Tn4677 環状化への関与  
 ○松本 哲、岸田 康平、永田 裕二、大坪 嘉行  
 東北大学院生命科学研究科
- P-59** MAPS を用いた腸管出血性大腸菌の病原性発現制御に関与する小分子 RNA の網羅的解析  
 ○須藤 直樹<sup>1</sup>、岡田 信彦<sup>2</sup>、三戸部 治郎<sup>1</sup>  
 1)杏林大・医学部 2)北里大・薬学部
- P-60** 水素細菌代謝改変株による 3-ヒドロキシブタン酸の生合成  
 ○玉井 智大、折田 和泉、福居 俊昭  
 東京工業大 生命理工学院
- P-61** シアノバクテリアにおける塩ストレス応答の制御に関わるハイブリッドヒスチジンキナーゼ OrrK の機能解析  
 ○有馬 樹、得平 茂樹  
 東京都立大学院・理学研究科
- P-62** 氷河微生物群集「クリオコナイト」の形成過程をメタゲノムデータから解き明かす  
 ○村上 匠<sup>1,2</sup>、瀬川 高弘<sup>3</sup>、森 宙史<sup>2</sup>、本郷 裕一<sup>1</sup>、竹内 望<sup>4</sup>  
 1)東工大・生命理工学院 2)遺伝研・情報研究系 3)山梨大・総合分析実験センター 4)千葉大・理学研究
- P-63** in situ sodium bisulfate-seq によるバクテリアゲノム内の G4-DNA の検出と比較  
 矢野 晃一<sup>1,2</sup>、村岡 正文<sup>1</sup>、秋山 光市郎<sup>1</sup>、○仁木 宏典<sup>1</sup>  
 1)遺伝研 2)立教大・理学部生命理学科
- P-64** MAG のアノテーションに向けた微生物比較ゲノムデータベース MBGD の改良  
 ○内山 郁夫<sup>1</sup>、三原 基広<sup>2</sup>、西出 浩世<sup>1</sup>、千葉 啓和<sup>3</sup>、高柳正彦<sup>4</sup>、河合 幹彦<sup>1</sup>  
 1)基礎生物学研究所 2)(株)ダイナコム 3)ライフサイエンスデータベースセンター 4)(株)ウ

ェブブレイン

**P-65**

ハロプラスマの DCW クラスターを中心とした細胞壁合成遺伝子の解析

○笠井 大司<sup>1</sup>、加藤 真悟<sup>2</sup>、塩見 大輔<sup>1</sup>

1)立教大・理学部 2)理化学研究所・バイオリソース研究センター

**P-66**

Urban microbiome:一括学習型自己組織化マップによる生物系統推定に基づく日本国内の都市環境微生物叢の比較

○齋藤 駿樹<sup>1</sup>、阿部 貴志<sup>1</sup>、志波 優<sup>2</sup>、鈴木 治夫<sup>3</sup>

1)新潟大・工学部、2)東京農大・生命科学、3)慶應義塾大・環境情報学部

**P-67**

細菌捕食性細菌 *Bdellovibrio* 属細菌新種のゲノムの特徴と株間の性状比較

○星子 裕貴、奥野 未来、都合 亜記暢、太田 啓介、山本 武司、小椋 義俊  
久留米大学・医学部