

## 3月8日(水)

口頭発表 1 (101) 13:00-15:00

^はオンライン配信無し口頭発表演題

- 13:00 **101-01^** 再構築ゲノム情報に基づく貧酸素環境下で独立栄養なマンガン酸化菌群の培養化  
○塚本 雄也<sup>1</sup>、高見 英人<sup>1</sup>、吉澤 晋<sup>1,2</sup>  
1)東大・大海研、2)東大院・新領域
- 13:12 **101-02^** ゲノム進化とゲノム縮小の協調的補完  
永井 元基<sup>1</sup>、黒川 真臣<sup>2</sup>、○應 蓓文<sup>1</sup>  
1)筑波大・生命環境、2)遺伝研・情報
- 13:24 **101-03^** 褐虫藻の増殖促進に関する遺伝子発現解析と転写因子の ChIP-seq 解析  
○吉原 静恵  
大阪公立大学・理学部
- 13:36 **101-04^** 複数炭素源を用いた大腸菌の培養とカタボライト制御のコンピュータシミュレーション  
○松岡 結<sup>1</sup>、清水 和幸<sup>2,3</sup>  
1)水産大学校・水産流通経営学科、2)九州工業大学、3)慶応大学
- 13:48 **101-05** Genome-wide association study of gastric cancer- and duodenal ulcer-derived *Helicobacter pylori* strains reveals discriminatory genetic variations and novel oncoprotein candidates  
○Koji Yahara<sup>1\*</sup>, Vo Phuoc Tuan<sup>2,3\*</sup>, Ho Dang Quy Dung<sup>2</sup>, Tran Thanh Binh<sup>2</sup>, Pham Huu Tung<sup>2</sup>, Tran Dinh Tri<sup>2</sup>, Ngo Phuong Minh Thuan<sup>2</sup>, Vu Van Khien<sup>3</sup>, Tran Thi Huyen Trang<sup>4</sup>, Bui Hoang Phuc<sup>2,3</sup>, Evariste Tshibangu-Kabamba<sup>3</sup>, Takashi Matsumoto<sup>3</sup>, Junko Akada<sup>3</sup>, Rumiko Suzuki<sup>3</sup>, Tadayoshi Okimoto<sup>3</sup>, Masaaki Kodama<sup>3</sup>, Kazunari Murakami<sup>3</sup>, Hirokazu Yano<sup>5,6</sup>, Masaki Fukuyo<sup>5,7</sup>, Noriko Takahashi<sup>5,8</sup>, Mototsugu Kato<sup>9,10</sup>, Shin Nishiumi<sup>11,12</sup>, Takeshi Azuma<sup>11</sup>, Yoshitoshi Ogura<sup>13,14</sup>, Tetsuya Hayashi<sup>13</sup>, Atsushi Toyoda<sup>15</sup>, Ichizo Kobayashi<sup>5,8,16</sup>, Yoshio Yamaoka<sup>3</sup>  
1)感染研、2)Cho Ray Hospital、3)大分大、4)108 Military Central Hospital、5)東京大、6)東北大、7)千葉大、8)杏林大、9)北大病院、10)国立病院機構函館病院、11)神戸大、12)兵庫医大、13)九州大、14)久留米大、15)遺伝研、16)法政大
- 14:00 **101-06** 二次代謝酵素が一次代謝酵素へ進化した痕跡  
川口 潤、森 ひかる、岩井 伯隆、○和地 正明  
東京工業大学・生命理工学院
- 14:12 **101-07** リボソームタンパク遺伝子は Metagenome-assembled genome 構築の隠れた難所である  
○美世 一守<sup>1,2</sup>、岩崎 渉<sup>1,3,4,5,6</sup>  
1)東大・理学系、2)産総研・生物プロセス、3)東大・新領域、4)東大・大海研、5)東大・定量研、6)東大・微生物イノベ

- 14:24 **101-08** フルクトースリッチな環境の乳酸菌に見られるゲノム収斂進化の法則性  
 ○今野 直輝<sup>1</sup>、前野 慎太郎<sup>2</sup>、谷沢 靖洋<sup>3</sup>、有田正規<sup>3,4</sup>、遠藤明仁<sup>5</sup>、岩崎 渉<sup>1,6</sup>  
 1)東大・理学系、2)九大・医学研究院、3)遺伝研・生命情報・DDBJ 研究センター、4)理化学研究所・環境資源科学研究センター、5)東農大・応用生物科学部、6)東大・新領域
- 14:36 **101-09** ショウジョウバエ体内に存在する酵母叢の多様性解析  
 ○清家 泰介<sup>1,2,3</sup>、武方 宏樹<sup>4</sup>、古澤 力<sup>3,5</sup>、松田 史生<sup>1,2</sup>  
 1)大阪大学・大学院情報科学研究科、2)大阪大学・先導的学際研究機構、3)理化学研究所・生命科学研究センター、4)琉球大学・研究推進機構、5)東京大学・大学院理学系研究科
- 14:48 **101-10** ゲノムとメタボロームを組み合わせた微生物の酵素遺伝子と代謝産物の推定法の開発  
 ○岡橋 伸幸、松田 史生  
 大阪大学・大学院情報科学研究科

**ショートトーク 1 (1St1)** 15:15-16:15 -XX はポスター番号と共通 \*はポスター賞応募演題

- 15:15 **1St1-01\*** 大腸菌ペプチドグリカン修復関連因子の複合体構造予測と相互作用解析  
 ○山口 穂野香<sup>1</sup>、阿合 理沙<sup>1</sup>、田原 悠平<sup>2</sup>、笠井 大司<sup>1</sup>、宮田 真人<sup>2</sup>、塩見 大輔<sup>1</sup>  
 1)立教大学・理学研究科・生命理学専攻、2)大阪公立大学・理学部・生物学科
- 15:17 **1St1-02\*** 生醗系酒母を用いた秋田の伝統的日本酒造りの微生物叢解析  
 ○池本 雄途<sup>1</sup>、中川 祐奈<sup>2</sup>、岩崎 渉<sup>2</sup>  
 1)秋田高校・理数科、2)東大・新領域
- 15:19 **1St1-03\*** 適応実験室進化による人工代謝経路のフラックス強化  
 ○井口 元太<sup>1</sup>、五十嵐 孝太<sup>1</sup>、山本啓介<sup>2</sup>、平沢 敬<sup>1</sup>  
 1)東京工業大学・生命理工学院、2)Green Earth Institute 株式会社
- 15:21 **1St1-04\*** ゲノム・進化・環境が大腸菌の増殖と遺伝子発現に及ぼす影響  
 ○松井 悠一郎、應 蓓文  
 筑波大・生命環境
- 15:23 **1St1-05\*** 遺伝情報と化学環境が大腸菌増殖に与える影響の横断的探索  
 ○會田 穂乃香、應 蓓文  
 筑波大・生命環境
- 15:25 **1St1-06\*** シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 における RNA 結合タンパク質の機能解析  
 ○町田 颯太郎、渡辺 智  
 東京農大院・生命・バイオ

- 15:27 **1St1-07\*** 細胞壁を持たない大腸菌 L-form におけるゲノム DNA の動態解析  
 ○遠山 唯<sup>1</sup>、浪川 結衣<sup>1</sup>、大島 拓<sup>2</sup>、塩見 大輔<sup>1</sup>  
 1)立教大学・理学部、2)富山県立大・工学部
- 15:29 **1St1-08\*** 大腸菌における遺伝子発現活性の調節による生分解性プラスチック LAHB の生産量向上および乳酸分率制御の試み  
 ○長尾 優輝<sup>1</sup>、田口 精一<sup>2</sup>、島田 友裕<sup>1</sup>  
 1)明治大学・農学部、2)神戸大学・科学技術イノベーション研究科
- 15:31 **1St1-09\*** 大腸菌 K-12 株における RpoN RNAP ホロ酵素の” Constitutive promoter”および”Repressive promoter”の同定  
 ○古幡 駿<sup>1</sup>、石浜 明<sup>2</sup>、島田 友裕<sup>1</sup>  
 1)明治大・農、2)法政大・マイクロナノテク研
- 15:33 **1St1-10\*** 大腸菌におけるクエン酸応答二成分制御系 CitA/CitB を介したクエン酸嫌気呼吸によるエネルギー産生制御  
 ○来島 楓、島田 友裕  
 明治大学・農学部
- 15:35 **1St1-11\*** 大腸菌における機能未知転写因子 YegW の機能解明  
 ○齋藤 駿介<sup>1</sup>、保科 元気<sup>2</sup>、小林 一幾<sup>1</sup>、石浜 明<sup>2</sup>、島田 友裕<sup>1</sup>  
 1)明治大学・農学部、2)法政大学・マイクロナノテク研
- 15:37 **1St1-12\*** 千葉県柏市の井水に生息する CPR の MAG を用いた宿主推定  
 ○中川 祐奈<sup>1</sup>、西村 祐貴<sup>1</sup>、大前 公保<sup>1</sup>、富永 賢人<sup>1</sup>、増田 幸子<sup>2</sup>、柴田 ありさ<sup>2</sup>、白須 賢<sup>2</sup>、岩崎 渉<sup>1</sup>  
 1)東京大学大学院・新領域創成科学研究科、2)理化学研究所・環境資源科学センター
- 15:39 **1St1-13\*** 環境中でのプラスミド伝播の理解を目指した接合実験と塩基組成の比較  
 ○徳田 真穂<sup>1</sup>、鈴木 治夫<sup>2</sup>、金原 和秀<sup>1</sup>、新谷 政己<sup>1,3,4</sup>  
 1)静大・創造、2)慶應大・環境情報、3)静大・グリーン研、4)理研・BRC-JCM
- 15:41 **1St1-14\*** 大腸菌ゲノム縮小株のホールゲノムシーケンス  
 ○小高 優人<sup>1,3</sup>、橋本 昌征<sup>2,1</sup>、李 謙一<sup>3</sup>、加藤 潤一<sup>1</sup>  
 1)都立大・理、2)台湾成功大・分医研究所、3)感染研・細菌第一部
- 15:43 **1St1-15\*** Ecology and physiology of endonuclear alphaproteobacterial symbionts (order Holosporales) infecting termite gut protists  
 ○Kong Suet Kei<sup>1</sup>, Katsura Igai<sup>1</sup>, Kazuki Takahashi<sup>1</sup>, Satoshi Murooka<sup>1</sup>, Hirokazu Kuwahara<sup>1</sup>, Tomoyuki Sato<sup>2</sup>, Moriya Ohkuma<sup>2</sup>, Yuichi Hongoh<sup>1,2</sup>  
 1)東工大・生命理工、2)理研・JCM
- 15:45 **1St1-16\*** 枯草菌におけるヘリオバクテリア光合成遺伝子クラスターの導入と異種発現  
 ○天野 克海<sup>1</sup>、浅井 智広<sup>2</sup>、高橋 裕貴<sup>1</sup>、板谷 光泰<sup>3</sup>、朝井 計<sup>1</sup>、渡辺 智<sup>1</sup>

1)東京農大・バイオ、2)立命館大・生命、3)信州大・工

- 15:47 **1St1-17\*** ウイルスゲノム情報の汚染率を推定する機械学習手法の開発  
○我妻 竜太<sup>1,2</sup>、西川 洋平<sup>2,3</sup>、細川 正人<sup>1,2,3,4</sup>、峯田 克彦<sup>2,5</sup>、木村 彰伸<sup>1,2</sup>、  
平木 優到<sup>1</sup>、實野 佳奈<sup>1,2</sup>、竹山 春子<sup>1,2,3,4</sup>  
1)早大・先進理工、2)産総研・早大 CBBBD-OIL、3)早大ナノ・ライフ創新研、4)早大先進生  
動態研、5)MaOI 機構
- 15:49 **1St1-18\*** Leveraging explainable AI for gut microbiome-based colorectal  
cancer classification  
○Ryza Rynazal, Takuji Yamada  
Department of Life Science and Technology, Tokyo Institute of Technology
- 15:51 **1St1-19\*** メタゲノムデータで解析する氷河細菌群集構造の詳細  
○村上 匠<sup>1</sup>、瀬川 高弘<sup>2</sup>、森 宙史<sup>1</sup>、竹内 望<sup>3</sup>  
1)遺伝研・先端ゲノミクス推進センター、2)山梨大学・総合分析実験センター、3)千葉大学・  
理学研究院
- 15:53 **1St1-20\*** 希少放線菌の機能解明に向けたダイズ根内生菌のゲノム解析  
○大西 雄貴<sup>1</sup>、西川 洋平<sup>2,3</sup>、細川 正人<sup>1,2,3,4</sup>、中島 琢自<sup>3</sup>、木伏 真子<sup>1</sup>、柏  
木 康熙<sup>1</sup>、松本 厚子<sup>3</sup>、穴井 豊昭<sup>5</sup>、竹山 春子<sup>1,2,3,4</sup>  
1)早大・先進理工、2)産総研・早大 CBBBD-OIL、3)早大・ナノライフ創新研、4)早大・生命  
動態研、5)九大院・農
- 15:55 **1St1-21\*** 近傍遺伝子情報を用いた機械学習による遺伝子の機能推定  
○綿野 桂人<sup>1</sup>、西村 陽介<sup>2</sup>、吉澤 晋<sup>3</sup>、岩崎 渉<sup>1,3,4</sup>  
1)東大院・理、2)海洋研究開発機構、3)東大・大海研、4)東大院・新領域
- 15:57 **1St1-22\*** アルギニン脱炭酸酵素をコードする *adiA* mRNA の 3'UTR から生成  
する新規 sRNA の機能解析  
○神田 健、宮腰 昌利  
筑波大学・医学医療系
- 15:59 **1St1-23\*** プラスミドを介した *Acaryochloris marina* MBIC 11017 の橙色光環  
境への適応  
○三宅 敬太<sup>1</sup>、樫本 友則<sup>2</sup>、迫 凌輔<sup>3</sup>、佐藤 繭子<sup>4</sup>、豊岡 公德<sup>4</sup>、兼崎 友  
5、岩崎 渉<sup>1</sup>、成川 礼<sup>3</sup>  
1)東京大・院新領域、2)静岡大・院理、3)都立大院・理、4)理研・CSRS、5)静岡大・グリー  
ン研
- 16:01 **1St1-24\*** PM2.5 のメタ 16S 解析における Locked Nucleic Acid(LNA)オリゴ  
ヌクレオチドを用いた選択的 PCR 増幅法  
○児島 智也<sup>1</sup>、山中 海<sup>1</sup>、奥田 知明<sup>2</sup>、鈴木 治夫<sup>3</sup>、田中 尚人<sup>1</sup>、西田 暁  
史<sup>1</sup>、志波 優<sup>1</sup>  
1)東京農業大学・微生物、2)慶應義塾大学・理工学部、3)慶應義塾大学・環境情報学部
- 16:03 **1St1-25\*** 土壌の違いが細菌叢形成に与える影響  
○平野 翔子、加藤 広海、Leonardo Stari、大坪 嘉行、永田 裕二

- 16:05 **1St1-26\*** 溶原性ファージの感染による欠陥プロファージの排除  
○内田 勇貴<sup>1</sup>、今村 大輔<sup>2</sup>、佐藤 勉<sup>1,2</sup>  
1)法政大学・理工学研究科、2)法政大学・生命科学部
- 16:07 **1St1-27\*** シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 の巨大プラスミド pSYSA の自律性を制御する Rep 同定とベクターへの応用  
○坂田 実乃里<sup>1</sup>、青柳 智大<sup>1</sup>、荷村 (松根) かおり<sup>1</sup>、Alena Kaltenbrunner<sup>2</sup>、Wolfgang Hess<sup>2</sup>、渡辺 智<sup>1</sup>  
1)東京農大・バイオ、2)University of Freiburg
- 16:09 **1St1-28\*** 枯草菌における S-アデノシルメチオニン代謝とリボソーム生合成との関連性の解析  
○大坂 夏木<sup>1</sup>、磯崎 龍之介<sup>2</sup>、河村 富士夫<sup>3</sup>、河野 暢明<sup>1</sup>、朝井 計<sup>2</sup>、佐々木 敦朗<sup>1,4</sup>  
1)慶應義塾大学・先端生命科学研究所、2)東京農業大学・バイオサイエンス学科、3)千葉大学・園芸学研究院、4)シンシナティ大学・医学部
- 16:11 **1St1-29\*** 他の腸内細菌存在下における大腸菌の薬剤耐性進化実験  
○永野 有佳理<sup>1</sup>、小谷 葉月<sup>2</sup>、吹谷 智<sup>1</sup>、古澤 力<sup>2,3</sup>、前田 智也<sup>1,2</sup>  
1)北海道大学大学院農学研究院、2)理化学研究所生命機能科学研究センター、3)東京大学大学院理学系研究科
- 16:13 **1St1-30\*** 極限環境藻類 *Cyanidium* sp. の pH ストレス応答に関する研究  
○山内 あずさ<sup>1</sup>、川島 玉稀<sup>1</sup>、兼崎 友<sup>2</sup>、渡辺 智<sup>1</sup>  
1)東京農大・バイオ、2)静岡大・グリーン研

**ポスター討論タイム (偶数番号)** 16:30-17:00

---

**ポスター討論タイム (奇数番号)** 17:00-17:30

---

## 3月9日(木)

### シンポジウム(2S1) 10:00-12:00

オーガナイザー： 大島 拓 (富山県立大)  
渡辺 智 (東京農業大)  
河野 暢明 (慶應義塾大)  
有田 正規 (遺伝研)

- 10:00 **2S1-01** シンプルゲノム合成  
○向井 崇人  
立教大学・理学部・生命理学科
- 10:30 **2S1-02** BarBIQ 法:細胞一つを見分けて計測する新規細菌叢解析法  
○城口 克之  
理化学研究所・生命機能科学研究センター
- 11:00 **2S1-03** 大腸菌を計算機上にまるとモデリングする  
○海津 一成<sup>1,2</sup>、高橋 恒一<sup>1</sup>  
1)理化学研究所・BDR、2)自然科学研究機構・ExCELLS
- 11:30 **2S1-04** 海洋微生物叢を理解するためのゲノムシーケンス解析研究  
○平岡 聡史  
海洋研究開発機構

### 口頭発表2 (2O1) 13:00-14:30

- 13:00 **2O1-01** プラスミド分類群 IncP-1 から IncP-14 群の再考  
○新谷政己<sup>1,2</sup>、森内良太<sup>2</sup>、道羅英夫<sup>1,2</sup>、鈴木治夫<sup>3</sup>、野尻秀昭<sup>4</sup>、鈴木仁人<sup>5</sup>  
1)静大院・総合科技、2)静大・グリーン研、3)慶大・環境情報、4)東大・AgTECH、5)感染研・薬剤耐性セ
- 13:12 **2O1-02** 大腸菌における *recA polA* 株における酸化ラジカル産生と増殖の相関性  
○海藤 晃弘<sup>1</sup>、石井 朝子<sup>1</sup>、野原 尊<sup>1</sup>、笠原 宏一<sup>1</sup>、鈴木 進悟<sup>2</sup>、椎名 隆<sup>2</sup>  
1)東海大学・生物学部・生物学科、2)東海大学・医学部・基礎医学
- 13:24 **2O1-03** メタゲノムから探る海洋 Flavobacteria 科細菌のゲノム進化  
○富永 賢人<sup>1</sup>、西村 祐貴<sup>1</sup>、大前 公保<sup>1</sup>、鈴木 誉保<sup>1</sup>、西村 陽介<sup>2</sup>、吉澤 晋<sup>3</sup>、岩崎 渉<sup>1</sup>  
1)東大院・新領域、2)海洋研究開発機構、3)東大・大気海洋研
- 13:36 **2O1-04** 大腸菌ゲノム縮小株のゲノムシーケンスから同定された機能未知遺伝子の解析  
○小高 優人<sup>1,3</sup>、橋本 昌征<sup>1,2</sup>、李 謙一<sup>3</sup>、加藤 潤一<sup>1</sup>  
1)都立大・理、2)台湾成功大・分医研究所、3)感染研・細菌第一部
- 13:48 **2O1-05** 寄生性原生生物におけるセルラーゼ遺伝子獲得と相利共生体への進化  
○猪飼 桂<sup>1</sup>、高橋 雄大<sup>1</sup>、守川 貴裕<sup>1</sup>、大熊 盛也<sup>2</sup>、山田 明德<sup>3</sup>、井上 徹志<sup>3</sup>、本郷 裕一<sup>1,2</sup>

1)東京工業大学・生命理工学院、2)理化学研究所・JCM、3)長崎大学大学院・水産・環境科学総合研究科

14:00 **201-06** 9 種細菌の薬剤耐性進化実験による薬剤耐性進化ダイナミクスの比較解析

○前田 智也<sup>1,2</sup>、田邊 久美<sup>2</sup>、芝井 厚<sup>2</sup>、小谷 葉月<sup>2</sup>、古澤 力<sup>2,3</sup>

1)北海道大学大学院農学研究院、2)理化学研究所生命機能科学研究センター、3)東京大学大学院理学系研究科

14:12 **201-07** Luciferase luminescence of colonies to assess NADPH levels in *Bacillus subtilis* cells.

○Wu Yuzheng<sup>1</sup>、石川 周<sup>1</sup>、田中 寛<sup>2</sup>、吉田 健一<sup>1</sup>

1)神戸大学・科学技術イノベーション研究科、2)東京工業大学

**ショートトーク2 (2St1)** 14:40-15:20 -XX はポスター番号と共通 \*はポスター賞応募演題

14:40 **2St1-31\*** 細菌の低温環境への適応シグナルは開始・終止コドン周辺に存在するか？

○土岐 誠司<sup>1</sup>、松井 求<sup>2</sup>、岩崎 渉<sup>1,2</sup>

1)東大・理、2)東大・院新領域

14:42 **2St1-32\*** Orphan Enzyme 遺伝子の新規探索パイプラインの構築

○松坂 善太、山田拓司

東京工業大学生命理工学院生命理工学系

14:44 **2St1-33\*** Comparative analysis of plasmids related to the colistin resistance IncP-1 plasmid pMCR\_1511

○Jiwoo Chae<sup>1,3</sup>, Aoi Watanabe<sup>2,3</sup>, Masaru Tomita<sup>1,3</sup>, Masato Suzuki<sup>4</sup>, Masaki Shintani<sup>5</sup>, Haruo Suzuki<sup>1,3</sup>

1)Environment & Info. Studies, Keio Univ., 2)Syst. Biol. Prog. Grad. Sch. Media & Governance, Keio Univ., 3)Inst. Adv. Biosci., Keio Univ., 4)AMR Res. Ctr., Nat. Inst. Infect. Dis., 5)Dep. Eng. Grad. Sch., Shizuoka Univ.

14:46 **2St1-34\*** 複製遺伝子群の転写翻訳で駆動する環状 DNA 自己複製系

○山岸 勇太<sup>1</sup>、川上 直貴<sup>1</sup>、長谷部 友憲<sup>1</sup>、高田 啓<sup>1,2</sup>、末次 正幸<sup>1</sup>

1)立教大院・理学研究科、2)現・京都産業大生命科学

14:48 **2St1-35\*** 実験室進化による大腸菌のエネルギーおよび酸化還元バランスの不均衡化に対する適応機構の解明

○山上 晃汰郎<sup>1</sup>、小谷 葉月<sup>2</sup>、吹谷 智<sup>1</sup>、古澤 力<sup>2,3</sup>、前田智也<sup>1,2</sup>

1)北海道大学大学院農学研究院、2)理化学研究所生命機能科学研究センター、3)東京大学大学院理学系研究科

14:50 **2St1-36\*** シアノバクテリアにおける広宿主域発現ベクターの開発

○坂巻 裕<sup>1</sup>、前田 海成<sup>2</sup>、木内 優花<sup>1</sup>、荷村 (松根) かおり<sup>1</sup>、渡辺 智<sup>1</sup>

1)東京農大・バイオ、2)東工大・化生研

- 14:52 **2St1-37\*** 細菌捕食性細菌 *Bdellovibrio* 属細菌の分離と比較ゲノム解析  
○星子 裕貴, 奥野 未来, 山本 武司, 小椋 義俊  
久留米大学・医学部
- 14:54 **2St1-38\*** 植物根圏における *Bradyrhizobium* 属細菌のゲノム特性：共生アイランド保有性および進化シナリオ  
○原 沙和<sup>1,2</sup>、板倉 学<sup>2</sup>、下田 宜司<sup>1</sup>、今泉(安楽) 温子<sup>1</sup>、南澤 究<sup>2</sup>、佐藤 修正<sup>2</sup>  
1)農研機構・生物研、2)東北大学・院生命
- 14:56 **2St1-39\*** Fe-S クラスタ-酵素促進因子 YgfZ による染色体複製制御の解析  
○里村 龍音、加生 和寿、片山 勉  
九州大学・薬学研究院
- 14:58 **2St1-40\*** 挿入配列活性によるオペロン構造形成の実証実験  
○金井 雄樹<sup>1</sup>、津留 三良<sup>1</sup>、古澤 力<sup>1,2</sup>  
1)東京大学・理学系研究科、2)理研・生命機能
- 15:00 **2St1-41\*** シアノバクテリアにおけるゲノム倍数性と転写、翻訳活性の相関  
○村木 遥飛、奥本 麗奈、大林 龍胆  
静岡大学・理学部
- 15:02 **2St1-42\*** シアノバクテリアを用いた大気からの合成繊維原料カダベリンの生産  
○岩本 大我、得平 茂樹  
東京都立大学大学院・理学研究科
- 15:04 **2St1-43\*** シアノバクテリア *Anabaena* sp. strain PCC 7120 の乾燥耐性に必須の機能未知遺伝子 *anaKa* の機能解析  
○菊地 望海、得平 茂樹  
東京都立大学大学院・理学研究科
- 15:06 **2St1-44** 地下圏に潜む微生物ダークマターの全貌解明を目指して  
○佐藤 悠<sup>1</sup>、中島 悠<sup>2</sup>、大久保 智司<sup>3</sup>、岡野 憲司<sup>4</sup>、木村浩之<sup>5</sup>、延 優<sup>6</sup>、  
玉木 秀幸<sup>7</sup>、本田 孝祐<sup>8</sup>  
1)山口大・研推機、2)海洋研究開発機構・超先鋭、3)東北大・院生命、4)関西大・化生工、  
5)静岡大・理・地球、6)産総研・生命工学、7)産総研・生物資源、8)大阪大・生工国交セ
- 15:08 **2St1-45** トノサマバツタ腸内細菌叢のメタゲノム解析  
○Jaeha Kim<sup>1</sup>、村上 匠<sup>1</sup>、豊田 敦<sup>2</sup>、森 宙史<sup>1</sup>  
1)遺伝研・情報研究系、2)遺伝研・ゲノム・進化研究系
- 15:10 **2St1-46** Uncovering the Dynamics of Microbial Genomic Structure and Function in Relation to Carbon Source Variation: An Investigation of Taxonomic Succession and Metagenome Composition  
○Leonardo Stari, Hiromi Kato, Yoshiyuki Ohtsubo, Yuji Nagata  
Graduate School of Life Sciences, Tohoku University
- 15:12 **2St1-47** Phylogenetic profiling analysis of the phycobilisome in



cyanobacteria revealed a novel state-transition regulator gene

○福永 津嵩<sup>1</sup>、小川 敬子<sup>2</sup>、岩崎 涉<sup>3</sup>、園池 公毅<sup>2</sup>

1)早稲田大学 高等研究所、2)早稲田大学 教育・総合科学学術院、3)東京大学 新領域創成科学研究科

15:14 **2St1-48** 遺伝子再編成に關与する枯草菌の溶原性ファージの分離

○岡脇 佑奈、今村 大輔、佐藤 勉

法政大学・生命科学部

15:16 **2St1-49** Urban microbiome: 人工環境表面からの RNA ウイルス叢解析の試み

○志波 優<sup>1</sup>、板橋 怜央<sup>1</sup>、鈴木 治夫<sup>2</sup>、馬場 知哉<sup>3</sup>

1)東京農大・生命科学、2)慶應大・環境情報、3)遺伝研・先端ゲノミクス

**ポスター討論タイム (偶数番号)** 15:40-16:10

---

**ポスター討論タイム (奇数番号)** 16:10-16:40

---

**総会** 16:50-17:30

---

**受賞講演** 17:30-18:20

---

**<<研究奨励賞受賞講演>>**

17:30 ゲノムの継承機構：共通原理と多様性の理解を目指して

尾崎 省吾

九州大学大学院・薬学研究院・分子生物薬学分野

**<<若手賞受賞講演>>**

18:00 メタゲノム解析を駆使した氷河細菌叢研究

村上 匠

国立遺伝学研究所

3月10日(金)

口頭発表3 (301) 10:00-12:00

- 10:00 **301-01** SMC 複合体とバウンダリー因子によるアーキア染色体の構造化機構  
○竹俣 直道<sup>1</sup>、仮屋 将史<sup>1</sup>、梶川 涼夏<sup>2</sup>、山浦 昂大<sup>1</sup>、折田 和泉<sup>3</sup>、石野 園子<sup>2</sup>、福居 俊昭<sup>3</sup>、石野 良純<sup>2</sup>、跡見 晴幸<sup>1</sup>  
1)京大・工学研究科、2)九大・生物資源環境科学府、3)東工大・生命理工学院
- 10:12 **301-02** *Streptomyces coelicolor* A3(2)の 23S rRNA 変異株におけるエリスロマイシン耐性メカニズム  
○中島 悠太<sup>1</sup>、谷岡 航佑<sup>2</sup>、星野 颯<sup>3</sup>、今井 優<sup>4</sup>、濱渦 亮子<sup>4</sup>、保坂 毅<sup>1,2,4</sup>  
1)信州大学大学院・総合理工学研究科、2)信州大学・農学部、3)静岡大学・農学部、4)信州大学・バイオメディカル研究所
- 10:24 **301-03** 環境障壁の突破の背後にある原核生物の遺伝子の二者択一進化  
○大前 公保、西村 祐貴、富永 賢人、岩崎 渉  
東京大学・大学院新領域創成科学研究科
- 10:36 **301-04** 大規模データ解析で明らかにする海洋光合成細菌の生態学的分布とその進化  
○西村 陽介<sup>1,2</sup>、塚谷 祐介<sup>1</sup>、河合 繁<sup>1</sup>、吉澤 晋<sup>2,3</sup>  
1)海洋研究開発機構、2)東大・大海研、3)東大院・新領域
- 10:48 **301-05** FtsZ 依存的な細胞分裂による細胞サイズ制御  
○林 匡史<sup>1</sup>、高岡 ちぐさ<sup>1</sup>、大島 拓<sup>2</sup>、塩見 大輔<sup>1</sup>  
1)立教大学・理学部、2)富山県立大学・工学部
- 11:00 **301-06** 浴槽水中のレジオネラ属菌とその微生物叢の多様性の関係  
○奥長 正基<sup>1,2</sup>、久代 健太<sup>1</sup>、井畑 綾乃<sup>1</sup>、堀江 怜平<sup>2</sup>、近藤 昭宏<sup>2</sup>、阿部 貴志<sup>1</sup>  
1)新潟大学大学院・自然科学研究科、2)日吉
- 11:12 **301-07** 複製開始起点 *oriC* の進化分子工学的的手法による改良  
○鈴木 祥太、宮内 翼、末次 正幸  
立教大学・理学部
- 11:24 **301-08** コレラ菌 RIL-seq 解析から明らかになる GcvB small RNA の制御ネットワーク  
○越智 郁<sup>1</sup>、宮腰 昌利<sup>2</sup>  
1)筑波大学・フロンティア医科学、2)筑波大学・医学医療系
- 11:36 **301-09** 環境メタゲノムから発見した反復配列の機能解明とその生物学的意義  
○末永 光<sup>1</sup>、松沢 智彦<sup>2</sup>、佐原 健彦<sup>3</sup>  
1)産総研・細胞分子工学、2)香川大・農学研究科、3)産総研・生物プロセス
- 11:48 **301-10** MreB<sup>D285G</sup> 変異により生じる多様な細胞形態  
○秋山 光市郎<sup>1</sup>、塩見 大輔<sup>2</sup>、仁木 宏典<sup>1</sup>  
1)遺伝研、2)立教大・理

**口頭発表4 (302)** 13:00-15:00

- 13:00 **302-01** 分類情報を用いたオーソログデータセット作成プログラム OrthoPhy の開発  
○堀池 徳祐<sup>1</sup>、渡邊 智輝<sup>2</sup>  
1)静岡大学・農学部、2)岐阜大学大学院・連合農学研究科
- 13:12 **302-02** Systematic analysis of plasmids in the *Serratia marcescens* complex using 142 complete genomes  
○Nagano Debora Satie、小野 友行、後藤 恭宏、中村 佳司、谷口 愛樹、林 哲也  
九州大学・医・細菌学
- 13:24 **302-03** カラフルな光受容体シアノバクテリオクロムの誕生における祖先配列復元を用いた分子的考察  
Nibedita Priyadarshini<sup>1</sup>、Niklas Steube<sup>2</sup>、Dennis Wiens<sup>2</sup>、成川 礼<sup>3</sup>、Annegret Wilde<sup>1</sup>、Georg K. A. Hochberg<sup>2</sup>、○榎本 元<sup>1,4</sup>  
1)University of Freiburg, Germany、2)Max Planck Institute for Terrestrial Microbiology, Germany、3)都立大学・理学部、4)電気通信大学・基盤理工学専
- 13:36 **302-04** 多視点に基づく細菌叢解析ツール QINDAO の構築  
○酒井 俊輔<sup>1,2</sup>、青島 将人<sup>1,2</sup>、土原 一哉<sup>1,2</sup>、山下 理宇<sup>1,2</sup>  
1)国立がん研究センター・先端医療開発センター、2)東京大学・新領域創成科学研究科
- 13:48 **302-05** カウロバクター菌の複製開始に重要な複製開始領域内の転写配列の機能解析  
○若杉 泰敬、尾崎 省吾、片山 勉  
九州大学・院薬・分子生物
- 14:00 **302-06** 染色体複製開始複合体において複製ヘリカーゼ DnaB の DNA 装着を支える開始因子 DnaA との動的相互作用機構解析  
○鶴田 匠、林 千尋、尾崎 省吾、片山 勉  
九州大学・院薬・分子生物
- 14:12 **302-07** メタゲノム温度計の応用 -その群集はその環境に適応しているのか-  
○黒川 真臣<sup>1</sup>、森 宙史<sup>1</sup>、東 光一<sup>1</sup>、吉田 圭佑<sup>2</sup>、佐藤 友彦<sup>2</sup>、丸山 茂徳<sup>2</sup>、黒川 顕<sup>1</sup>  
1)国立遺伝学研究所、2)東京工業大学
- 14:24 **302-08** CRISPR-Cas system を持たない微生物に集積されている機能未知ドメインの解析  
○西村 祐貴<sup>1</sup>、石川 聖人<sup>2</sup>、大前 公保<sup>1</sup>、富永 賢人<sup>1</sup>、安田 梨乃<sup>3</sup>、岩崎 涉<sup>1,3</sup>  
1)東大院・新領域、2)長浜バイオ・バイオサイエンス、3)東大院・メディカル情報
- 14:36 **302-09** CGB: 大規模ゲノム比較のための比較ゲノムブラウザ  
○内山 郁夫<sup>1</sup>、高柳 正彦<sup>2</sup>  
1)基礎生物学研究所、2)(株)ウェブブレイン

14:48 **302-10** 病原性酵母 *Candida glabrata* における全遺伝子組換え体を用いた生命維持遺伝子の同定

○知花 博治、笹本 要、中野 恵子、佐藤 美智代、山口 正視、高橋 梓

千葉大学・真菌医学研究センター