

ポスター発表

*はポスター賞応募演題

3月8日(水)

ポスター討論タイム(偶数番号) 16:30-17:00

ポスター討論タイム(奇数番号) 17:00-17:30

3月9日(木)

ポスター討論タイム(偶数番号) 15:40-16:10

ポスター討論タイム(奇数番号) 16:10-16:40

- P-01*** 大腸菌ペプチドグリカン修復関連因子の複合体構造予測と相互作用解析
○山口 穂野香¹、阿合 理沙¹、田原 悠平²、笠井 大司¹、宮田 真人²、塩見 大輔¹
1)立教大学・理学研究科・生命理学専攻、2)大阪公立大学・理学部・生物学科
- P-02*** 生醗系酒母を用いた秋田の伝統的日本酒造りの微生物叢解析
○池本 雄途¹、中川 祐奈²、岩崎 渉²
1)秋田高校・理数科、2)東大・新領域
- P-03*** 適応実験室進化による人工代謝経路のフラックス強化
○井口 元太¹、五十嵐 孝太¹、山本啓介²、平沢 敬¹
1)東京工業大学・生命理工学院、2)Green Earth Institute 株式会社
- P-04*** ゲノム・進化・環境が大腸菌の増殖と遺伝子発現に及ぼす影響
○松井 悠一郎、應 蓓文
筑波大・生命環境
- P-05*** 遺伝情報と化学環境が大腸菌増殖に与える影響の横断的探索
○會田 穂乃香、應 蓓文
筑波大・生命環境
- P-06*** シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 における RNA 結合タンパク質の機能解析
○町田 颯太郎、渡辺 智
東京農大院・生命・バイオ
- P-07*** 細胞壁を持たない大腸菌 L-form におけるゲノム DNA の動態解析
○遠山 唯¹、浪川 結衣¹、大島 拓²、塩見 大輔¹
1)立教大学・理学部、2)富山県立大・工学部
- P-08*** 大腸菌における遺伝子発現活性の調節による生分解性プラスチック LAHB の生産量向上および乳酸分率制御の試み
○長尾 優輝¹、田口 精一²、島田 友裕¹
1)明治大学・農学部、2)神戸大学・科学技術イノベーション研究科
- P-09*** 大腸菌 K-12 株における RpoN RNAP ホロ酵素の” Constitutive

promoter”および”Repressive promoter” の同定

○古幡 駿¹、石浜 明²、島田 友裕¹

1)明治大・農、2)法政大・マイクロナノテク研

P-10*

大腸菌におけるクエン酸応答二成分制御系 CitA/CitB を介したクエン酸嫌気呼吸によるエネルギー産生制御

○来島 楓、島田 友裕

明治大学・農学部

P-11*

大腸菌における機能未知転写因子 YegW の機能解明

○齋藤 駿介¹、保科 元気²、小林 一幾¹、石浜 明²、島田 友裕¹

1)明治大学・農学部、2)法政大学・マイクロナノテク研

P-12*

千葉県柏市の井水に生息する CPR の MAG を用いた宿主推定

○中川 祐奈¹、西村 祐貴¹、大前 公保¹、富永 賢人¹、増田 幸子²、柴田 ありさ²、白須 賢²、岩崎 渉¹

1)東京大学大学院・新領域創成科学研究科、2)理化学研究所・環境資源科学センター

P-13*

環境中でのプラスミド伝播の理解を目指した接合実験と塩基組成の比較

○徳田 真穂¹、鈴木 治夫²、金原 和秀¹、新谷 政己^{1,3,4}

1)静大・創造、2)慶應大・環境情報、3)静大・グリーン研、4)理研・BRC-JCM

P-14*

大腸菌ゲノム縮小株のホールゲノムシーケンス

○小高 優人^{1,3}、橋本 昌征^{2,1}、李 謙一³、加藤 潤一¹

1)都立大・理、2)台湾成功大・分医研究所、3)感染研・細菌第一部

P-15*

Ecology and physiology of endonuclear alphaproteobacterial symbionts (order Holosporales) infecting termite gut protists

○Kong Suet Kei¹、Katsura Igai¹、Kazuki Takahashi¹、Satoshi Murooka¹、Hirokazu Kuwahara¹、Tomoyuki Sato²、Moriya Ohkuma²、Yuichi Hongoh^{1,2}

1)東工大・生命理工、2)理研・JCM

P-16*

枯草菌におけるヘリオバクテリア光合成遺伝子クラスターの導入と異種発現

○天野 克海¹、浅井 智広²、高橋 裕貴¹、板谷 光泰³、朝井 計¹、渡辺 智¹

1)東京農大・バイオ、2)立命館大・生命、3)信州大・工

P-17*

ウイルスゲノム情報の汚染率を推定する機械学習手法の開発

○我妻 竜太^{1,2}、西川 洋平^{2,3}、細川 正人^{1,2,3,4}、峯田 克彦^{2,5}、木村 彰伸^{1,2}、平木 優到¹、實野 佳奈^{1,2}、竹山 春子^{1,2,3,4}

1)早大・先進理工、2)産総研・早大 CBBB-OIL、3)早大ナノ・ライフ創新研、4)早大先進生動態研、5)MaOI 機構

P-18*

Leveraging explainable AI for gut microbiome-based colorectal cancer classification

○Ryza Rynazal, Takuji Yamada

P-19*

メタゲノムデータで解析する氷河細菌群集構造の詳細

○村上 匠¹、瀬川 高弘²、森 宙史¹、竹内 望³

1)遺伝研・先端ゲノミクス推進センター、2)山梨大学・総合分析実験センター、3)千葉大学・理学研究院

P-20*

希少放線菌の機能解明に向けたダイズ根内生菌のゲノム解析

○大西 雄貴¹、西川 洋平^{2,3}、細川 正人^{1,2,3,4}、中島 琢自³、木伏 真子¹、柏木 康熙¹、松本 厚子³、穴井 豊昭⁵、竹山 春子^{1,2,3,4}

1)早大・先進理工、2)産総研・早大 CBBB-OIL、3)早大・ナノライフ創研、4)早大・生命動態研、5)九大院・農

P-21*

近傍遺伝子情報を用いた機械学習による遺伝子の機能推定

○綿野 桂人¹、西村 陽介²、吉澤 晋³、岩崎 涉^{1,3,4}

1)東大院・理、2)海洋研究開発機構、3)東大・大海研、4)東大院・新領域

P-22*

アルギニン脱炭酸酵素をコードする *adiA* mRNA の 3'UTR から生成する新規 sRNA の機能解析

○神田 健、宮腰 昌利

筑波大学・医学医療系

P-23*

プラスミドを介した *Acaryochloris marina* MBIC 11017 の橙色光環境への適応

○三宅 敬太¹、榎本 友則²、迫 凌輔³、佐藤 繭子⁴、豊岡 公德⁴、兼崎 友⁵、岩崎 涉¹、成川 礼³

1)東京大・院新領域、2)静岡大・院理、3)都立大院・理、4)理研・CSRS、5)静岡大・グリーン研

P-24*

PM2.5 のメタ 16S 解析における Locked Nucleic Acid(LNA)オリゴヌクレオチドを用いた選択的 PCR 増幅法

○児島 智也¹、山中 海¹、奥田 知明²、鈴木 治夫³、田中 尚人¹、西田 暁史¹、志波 優¹

1)東京農業大学・微生物、2)慶應義塾大学・理工学部、3)慶應義塾大学・環境情報学部

P-25*

土壌の違いが細菌叢形成に与える影響

○平野 翔子、加藤 広海、Leonardo Stari、大坪 嘉行、永田 裕二

東北大学 大学院生命科学研究科

P-26*

溶原性ファージの感染による欠陥プロファージの排除

○内田 勇貴¹、今村 大輔²、佐藤 勉^{1,2}

1)法政大学・理工学研究科、2)法政大学・生命科学部

P-27*

シアノバクテリア *Synechocystis* sp. PCC 6803 の巨大プラスミド pSYSA の自律性を制御する Rep 同定とベクターへの応用

○坂田 実乃里¹、青柳 智大¹、荷村 (松根) かおり¹、Alena Kaltenbrunner²、Wolfgang Hess²、渡辺 智¹

1)東京農大・バイオ、2)University of Freiburg

- P-28*** 枯草菌におけるS-アデノシルメチオニン代謝とリボソーム生合成との関連性の解析
 ○大坂 夏木¹、磯崎 龍之介²、河村 富士夫³、河野 暢明¹、朝井 計²、佐々木 敦朗^{1,4}
 1)慶應義塾大学・先端生命科学研究所、2)東京農業大学・バイオサイエンス学科、3)千葉大学・園芸学研究院、4)シンシナティ大学・医学部
- P-29*** 他の腸内細菌存在下における大腸菌の薬剤耐性進化実験
 ○永野 有佳理¹、小谷 葉月²、吹谷 智¹、古澤 力^{2,3}、前田 智也^{1,2}
 1)北海道大学大学院農学研究院、2)理化学研究所生命機能科学研究センター、3)東京大学大学院理学系研究科
- P-30*** 極限環境藻類 *Cyanidium* sp. の pH ストレス応答に関する研究
 ○山内 あずさ¹、川島 玉稀¹、兼崎 友²、渡辺 智¹
 1)東京農大・バイオ、2)静岡大・グリーン研
- P-31*** 細菌の低温環境への適応シグナルは開始・終止コドン周辺に存在するか？
 ○土岐 誠司¹、松井 求²、岩崎 渉^{1,2}
 1)東大・理、2)東大・院新領域
- P-32*** Orphan Enzyme 遺伝子の新規探索パイプラインの構築
 ○松坂 善太、山田拓司
 東京工業大学生命理工学院生命理工学系
- P-33*** Comparative analysis of plasmids related to the colistin resistance IncP-1 plasmid pMCR_1511
 ○Jiwoo Chae^{1,3}, Aoi Watanabe^{2,3}, Masaru Tomita^{1,3}, Masato Suzuki⁴, Masaki Shintani⁵, Haruo Suzuki^{1,3}
 1)Environment & Info. Studies, Keio Univ., 2)Syst. Biol. Prog. Grad. Sch. Media & Governance, Keio Univ., 3)Inst. Adv. Biosci., Keio Univ., 4)AMR Res. Ctr., Nat. Inst. Infect. Dis., 5)Dep. Eng. Grad. Sch., Shizuoka Univ.
- P-34*** 複製遺伝子群の転写翻訳で駆動する環状 DNA 自己複製系
 ○山岸 勇太¹、川上 直貴¹、長谷部 友憲¹、高田 啓^{1,2}、末次 正幸¹
 1)立教大院・理学研究科、2)現・京都産業大生命科学
- P-35*** 実験室進化による大腸菌のエネルギーおよび酸化還元バランスの不均衡化に対する適応機構の解明
 ○山上 晃汰郎¹、小谷 葉月²、吹谷 智¹、古澤 力^{2,3}、前田智也^{1,2}
 1)北海道大学大学院農学研究院、2)理化学研究所生命機能科学研究センター、3)東京大学大学院理学系研究科
- P-36*** シアノバクテリアにおける広宿主域発現ベクターの開発
 ○坂巻 裕¹、前田 海成²、木内 優花¹、荷村 (松根) かおり¹、渡辺 智¹

1)東京農大・バイオ、2)東工大・化生研

P-37*

細菌捕食性細菌 *Bdellovibrio* 属細菌の分離と比較ゲノム解析

○星子 裕貴, 奥野 未来, 山本 武司, 小椋 義俊

久留米大学・医学部

P-38*

植物根圏における *Bradyrhizobium* 属細菌のゲノム特性：共生アイランド保有性および進化シナリオ

○原 沙和^{1,2}、板倉 学²、下田 宜司¹、今泉(安楽) 温子¹、南澤 究²、佐藤 修正²

1)農研機構・生物研、2)東北大学・院生命

P-39*

Fe-S クラスター酵素促進因子 YgfZ による染色体複製制御の解析

○里村 龍音、加生 和寿、片山 勉

九州大学・薬学研究院

P-40*

挿入配列活性によるオペロン構造形成の実証実験

○金井 雄樹¹、津留 三良¹、古澤 力^{1,2}

1)東京大学・理学系研究科、2)理研・生命機能

P-41*

シアノバクテリアにおけるゲノム倍数性と転写、翻訳活性の相関

○村木 遥飛、奥本 麗奈、大林 龍胆

静岡大学・理学部

P-42*

シアノバクテリアを用いた大気からの合成繊維原料カダベリンの生産

○岩本 大我、得平 茂樹

東京都立大学大学院・理学研究科

P-43*

シアノバクテリア *Anabaena* sp. strain PCC 7120 の乾燥耐性に必須の機能未知遺伝子 *anaKa* の機能解析

○菊地 望海、得平 茂樹

東京都立大学大学院・理学研究科

P-44

地下圏に潜む微生物ダークマターの全貌解明を目指して

○佐藤 悠¹、中島 悠²、大久保 智司³、岡野 憲司⁴、木村浩之⁵、延 優⁶、玉木 秀幸⁷、本田 孝祐⁸

1)山口大・研推機、2)海洋研究開発機構・超先鋭、3)東北大・院生命、4)関西大・化生工、5)静岡大・理・地球、6)産総研・生命工学、7)産総研・生物資源、8)大阪大・生工国交セ

P-45

トノサマバツタ腸内細菌叢のメタゲノム解析

○Jaeha Kim¹、村上 匠¹、豊田 敦²、森 宙史¹

1)遺伝研・情報研究系、2)遺伝研・ゲノム・進化研究系

P-46

Uncovering the Dynamics of Microbial Genomic Structure and Function in Relation to Carbon Source Variation: An Investigation of Taxonomic Succession and Metagenome Composition

○Leonardo Stari, Hiromi Kato, Yoshiyuki Ohtsubo, Yuji Nagata

Graduate School of Life Sciences, Tohoku University

P-47

Phylogenetic profiling analysis of the phycobilisome in

cyanobacteria revealed a novel state-transition regulator gene

○福永 津嵩¹、小川 敬子²、岩崎 涉³、園池 公毅²

1)早稲田大学 高等研究所、2)早稲田大学 教育・総合科学学術院、3)東京大学 新領域創成科学研究科

P-48

遺伝子再編成に関する枯草菌の溶原性ファージの分離

○岡脇 佑奈、今村 大輔、佐藤 勉

法政大学・生命科学部

P-49

Urban microbiome: 人工環境表面からの RNA ウイルス叢解析の試み

○志波 優¹、板橋 怜央¹、鈴木 治夫²、馬場 知哉³

1)東京農大・生命科学、2)慶應大・環境情報、3)遺伝研・先端ゲノミクス

P-50

Urban microbiome:新潟県における微生物多様性調査

○阿部 貴志¹、Dewa Rasmika Dewi²、志波 優³、鈴木 治夫⁴

1)新潟大・工、2)国際医療福祉大学・医、3)東京農大・生命科学、4)慶應大・環境情報

P-51

Urban microbiome:山口市の建築環境表面におけるショットガン・メタゲノム配列解析

○津田 和俊^{1,2}、高原 文江¹、伊藤 隆之¹、鈴木 治夫³

1)山口情報芸術センター[YCAM]、2)京都工芸繊維大学、3)慶應大・環境情報

P-52

Urban microbiome: comparison of microbial diversity in the built environments in Narita and other cities in Japan using shotgun metagenomic sequencing

○Dewa Rasmika Dewi¹、志波 優²、鈴木 治夫³

1)国際医療福祉大学・医学部、2)東京農大・生命科学、3)慶應大・環境情報

P-53*

GcvB small RNA の大腸菌とコレラ菌の比較解析

○越智 郁¹、宮腰 昌利²

1)筑波大学・フロンティア医科学、2)筑波大学・医学医療系

P-54

原核生物ゲノムの自動アノテーションおよび DDBJ 登録支援パイプライン DFAST

○谷澤 靖洋、藤澤 貴智、中村 保一

国立遺伝学研究所・情報研究系/生命情報・DDBJ センター

P-55

スピロプラズマの FtsZ タンパク質が構築する構造の L 型大腸菌を用いた解析

○笠井 大司¹、田原 悠平²、宮田 真人²、塩見 大輔¹

1)立教大学・理学部、2)大阪公立大学・理学研究科

P-56

Rodentibacter pneumotropicus ゲノムにおける挿入ファージパターンの解析

○池 郁生¹、梶田 亜矢子¹、豊田 敦²、佐々木 啓³

1)理研・BRC、2)遺伝研、3)順天堂大学

P-57

Connecting gene function to bacterial population dynamics

○Zehui Lao, Bei-Wen Ying

- P-58** インド由来コレラ流行株の完全ゲノム解析
篠崎 真菜、若林 丈人、佐藤 勉、○今村 大輔
法政大学・生命科学部
- P-59** クロマグロ稚魚の成長モニタリング試験-体表粘液標本の dd-RAD-seq 法を用いて-
○阿川 泰夫¹、河原 正人¹、木南 竜平¹、澤田 好史¹、白澤 健太²、磯部 祥子²
1)近畿大学・水産研究所、2)かずさ DNA 研究所・植物ゲノム・遺伝学研究室
- P-60** 潜在性結核における結核菌の宿主内変異獲得速度の推定
○大薄 麻未¹、田丸 亜貴²、岩本 朋忠³、御手洗 聡^{1,4}、村瀬 良朗¹
1)公益財団法人結核予防会 結核研究所 抗酸菌部、2)大阪健康安全基盤研究所 微生物部 細菌課、3)神戸市健康科学研究所、4)長崎大学大学院 医歯薬学総合研究科
- P-61** 好熱菌ゲノムに見出されたポリヒドロキシアルカン酸生合成遺伝子群の解析
○稲葉 蒼一郎、折田 和泉、福居 俊昭
東京工業大学・生命理工学院
- P-62** リバースジャイレースによる超好熱菌のゲノム構造制御
○山浦 昂大、竹俣 直道、跡見 晴幸
京都大学・工学研究科
- P-63** *ssr1765* を介した *Synechocystis* sp.PCC6803 のストレス耐性機構への機能解析
○宮田麻梨奈¹、畑佳明²、太田尚孝^{1,2}
1)東理大・院理学・科学教育、2)東理大・院理学・教養教育
- P-64** ゲノム情報に基づく *Legionella pneumophila* の *Galleria mellonella* における致死活性予測モデルの構築
○高橋 佑介、山口 貴弘
大阪健康安全基盤研究所
- P-65** Characteristics of Microbial Communities Identified in the International Space Station
○Aoi Watanabe^{1,2}、Masaru Tomita^{1,2,3}、Shawn E. McGlynn⁴、Haruo Suzuki³
1)Syst. Biol. Prog. Grad. Sch. Media & Governance, Keio Univ., 2)Inst. Adv. Biosci., Keio Univ., 3)Environment & Info. Studies, Keio Univ., 4)Earth-Life Science Institute, Tokyo Institute of Technology
- P-66** DNA gyrase を阻害する黄色ブドウ球菌の TA システムに関する研究
○加藤 文紀¹、Masayori Inouye²
1)広島大学院・医系科学、2)Rutgers 大学
- P-67** ゲノム縮小進化過程における遺伝的浮動の影響に関する網羅的調査
○金城 幸宏

沖縄国際大学・経済学部

P-68

枯草菌リボスイッチ近傍における RNA ポリメラーゼ停滞メカニズムの解析

○深町 和貴¹、藤田 千晶¹、楠屋 陽子²、大島 拓¹

1)富山県立大・工・生物工、2)千葉大・真菌医学研究センター

P-69

菌根菌叢・細菌叢同定ウェブインターフェースの開発

○平川 英樹¹、丹羽 理恵子²、佐藤 修正³、江沢 辰広⁴

1)かずさ DNA 研究所、2)園芸植物育種研究所、3)東北大学大学院生命科学、4)北海道大学大学院農学研究院

P-70

マイクロバイーム研究を先導するハブを目指した Microbiome Datahub の開発

○森 宙史¹、藤澤 貴智¹、東 光一¹、谷澤 靖洋¹、中川 善一²、西出 浩世³、中村 保一¹、山田 拓司²、松井 求⁴、内山 郁夫³

1) 国立遺伝学研究所、2)東工大・生命理工学院、3)基礎生物学研究所、4)東大院・新領域